



**CITOGENÉTICA COMPARATIVA EM ESPÉCIES DE BOANA (ANURA, HYLIDAE) BASEADA EM DNAS REPETITIVOS**

Karine Larissa Kuryluk (Fundação Araucária)  
Unespar/Campus União da Vitória, karinee\_kkk@hotmail.com

Rafael Bueno Noletto (Orientadora/a)  
Unespar/Campus União da Vitória, rafael.noletto@unespar.edu.br

Modalidade: Pesquisa  
Programa Institucional: PIBIC: Programa Institucional de Bolsas de Iniciação Científica

Grande Área do Conhecimento: Ciências Biológicas

**RESUMO:** O gênero *Boana* compreende um grupo diverso de pererecas neotropicais, atualmente reorganizado em sete grupos taxonômicos. Embora estudos citogenéticos tenham demonstrado diversidade em seus representantes, o mapeamento cromossômico de sequências repetitivas de DNA ainda é escasso. Neste estudo, *Boana albopunctata*, *Boana faber* e *Boana prasina*, oriundas de diferentes grupos taxonômicos foram submetidas à localização in situ de diferentes unidades repetitivas de DNA com o objetivo de obter dados para melhor entender as dinâmicas genômicas espécie-específicas na distribuição dessas sequências. *B. faber* e *B. prasina* apresentaram  $2n=24$  cromossomos, enquanto *B. albopunctata* com  $2n=22$  e uma variação intraindividual relacionada à presença/ausência de um cromossomo supranumerário (B). Em *B. albopunctata* a localização in situ das repetições microssatélites mostraram sinais conspícuos na posição intersticial de apenas um homólogo do par 1 e na região terminal do braço curto do par 8. O microssatélite (CAG)<sub>n</sub> foi localizado nos telômeros de quase todos os cromossomos, inclusive no cromossomo B, o qual também apresentou acúmulo em sua região pericentromérica. Em *B. faber* microssatélites foram evidenciados preferencialmente em regiões terminais, além de sinais dispersos ao longo de todos os cromossomos. Em *B. prasina* todas as repetições microssatélites analisadas hibridizaram exclusivamente sobre o braço longo do par 11, coincidente com um grande bloco heterocromático, o qual representa uma sinapomorfia dentro do grupo *Boana pulchella*, atualmente composto por *B. prasina* e outras 37 espécies. O mapeamento cromossômico de loci microssatélites provou ser um importante marcador para a comparação cariotípica em *Boana*, geralmente acumulados em regiões heterocromáticas. Adicionalmente, a dispersão genômica destas sequências repetitivas pode estar associada a efeitos de carona durante a propagação de elementos transponíveis. Os resultados obtidos corroboram a diversificação independente dessas três espécies provenientes de três grupos filogenéticos distintos.

**Palavras-chave:** Anfíbios. Cariótipo. Microssatélites

Realização



**PRPPG**  
Pró-Reitoria de Pesquisa  
e Pós-Graduação

**PROEC**  
Pró-Reitoria de Extensão  
e Cultura

Apoio



**PARANÁ**  
GOVERNO DO ESTADO  
SECRETARIA DA CIÊNCIA,  
TECNOLOGIA E ENSINO SUPERIOR

